

Curriculum



Nome Name:	Cristian
Cognome Surname:	Capelli

ORCID:	0000-0001-9348-9084
Scopus Author ID:	7004189634
WOS Author ID:	n.d.
Sito WEB WEB site:	n.d.

POSIZIONE PROFESSIONALE ATTUALE / CURRENT PROFESSIONAL POSITION:

Posizione attuale Current position:	In servizio
Qualifica Qualification:	Professore Associato confermato
Ateneo/Ente/Azienda University/Institution/Company:	Università degli Studi di PARMA
Nazione Ateneo/Ente/Azienda University/Institution/Company Country:	ITA
Anno inizio Start Year:	2020
Anno fine End Year:	n.d.

PRECEDENTI ESPERIENZE LAVORATIVE (ULTIMI 10 ANNI) / PREVIOUS WORK EXPERIENCE (LAST 10 YEARS):

Qualifica Qualification:	Professore Associato confermato
-----------------------------	---------------------------------

Ateneo/Ente/Azienda University/Institution/Company	University of Oxford
Posizione Sede Lavorativi (indicare Nazione e Città) Workplace Location (specify Country and City):	Oxford, OXF, Inghilterra, Regno Unito
Anno inizio Start Year:	2006
Anno fine End Year:	2020
Descrizione Description:	Associate Professor in Human Evolution and Director of Studies/Tutorial Fellow in Human Sciences at St Hugh's College

LINGUE / LANGUAGES:

Lingua Language:	Inglese
Scrittura Writing:	C1
Comunicazione Communication:	C1

AREA/SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE / AREA/SECTOR SCIENTIFIC-DISCIPLINARY

Area scientifico-disciplinare Area scientific-disciplinary:	Scienze biologiche
Area scientifico-disciplinare codice Area scientific-disciplinary code:	05
Settore scientifico-disciplinare codice Sector scientific-disciplinary code:	-Antropologia
Settore scientifico-disciplinare codice Sector scientific-disciplinary code:	-BIOS-03/B

DESCRIZIONE DEI PRINCIPALI RISULTATI SCIENTIFICI CONSEGUITI NEGLI ULTIMI 10 ANNI (CON ANNESSO ELENCO DI MASSIMO 10 PUBBLICAZIONI) / DESCRIPTION OF THE MAIN SCIENTIFIC RESULTS ACHIEVED IN THE LAST 10 YEARS (WITH ATTACHED LIST OF MAXIMUM 10 PUBLICATIONS):

Descrizione Description:	<i>Nell'ultimo decennio il mio gruppo di ricerca si è focalizzato sullo studio della variabilità del DNA a livello genomico applicato alla caratterizzazione della storia evolutiva della nostra specie. Il mio interesse principale è caratterizzare il ruolo del flusso genico, antico e recente, nel plasmare i modelli di distribuzione della variabilità tra le popolazioni umane. Molte di queste indagini si sono sviluppate da ricerche sul campo condotte in Lesotho, Namibia e Sud Africa, ed hanno messo in</i>
-----------------------------	--

	<p>evidenza dinamiche ecologiche, demografiche e culturali coinvolte in questi processi. In particolare abbiamo evidenziato il grado di struttura presente in popolazioni di cacciatori raccoglitori presenti in Africa meridionale e i processi di mescolamento associati alla diffusione delle lingue Bantu. Simili studi effettuati sulle popolazioni Europee hanno evidenziato il ruolo dei fenomeni storici alla base della attuale distribuzione della diversita' genomica. La presenza di struttura all'interno di popolazioni Africane ha suggerito anche di esplorare tale diversita' anche a livello forense, generando database di riferimento per marcatori genetici forensi. Negli ultimi cinque anni abbiamo cominciato ad applicare le metodiche biostatistiche sviluppate inizialmente per l'analisi di dati genomici umani allo studio della storia evolutiva di primati non-umani. In particolare ci siamo occupati di due generi presenti nel continente Africano: Papio, presente in tutta l'Africa e Theropithecus, endemico degli altopiani Etiopi. In questi studi abbiamo identificato fenomeni estesi di ibridazione, fornendo evidenze complementari a quelle di tipo morfologico e suggerendo nuovi modelli legati alla loro evoluzione.</p>
--	---

PUBBLICAZIONI / PUBLICATIONS:

Anno della pubblicazione Year of publication:	2024
Citazione Citation:	Caldon M., Mutti G., Mondanaro A., Imai H., Shotake T., OteoGarcia G., Belay G., Morata J., Trotta J. -R., Montinaro F., Gippoliti S., Capelli C. (2024). Gelada genomes highlight events of gene flow, hybridisation and local adaptation that track past climatic changes. MOLECULAR ECOLOGY, vol. 33, ISSN: 0962-1083, doi: 10.1111/mec.17514

Anno della pubblicazione Year of publication:	2023
Citazione Citation:	Mutti, Giacomo, Oteo-Garcia, Gonzalo, Caldón, Matteo, da Silva, Maria Joana Ferreira, Minhós, Tânia, Cowlshaw, Guy, Gottelli, Dada, Huchard, Elise, Carter, Alecia, Martinez, Felipe I, Raveane, Alessandro, Capelli, Cristian (2023). Assessing the recovery of Y chromosome microsatellites with population genomic data using Papio and Theropithecus genomes. SCIENTIFIC REPORTS, vol. 13, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/s41598-023-40931-x

Anno della pubblicazione Year of publication:	2022
Citazione Citation:	Santander C., Molinaro L., Mutti G., Martinez F. I., Mathe J., Ferreira da Silva M. J., Caldón M., Oteo-Garcia G., Aldeias V., Archer W., Bamford M., Biro D., Bobe R., Braun D. R., Hammond P., Ludecke T., Pinto M. J., Meira Paulo L., Stalmans M., Regala F. T., Bertolini F., Moltke I., Raveane A., Pagani L., Carvalho S., Capelli C. (2022).

	Genomic variation in baboons from central Mozambique unveils complex evolutionary relationships with other Papio species. BMC ECOLOGY, vol. 22, 44, ISSN: 1472-6785, doi: 10.1186/s12862-022-01999-7
--	--

Anno della pubblicazione Year of publication:	2019
Citazione Citation:	Raveane A., Aneli S., Montinaro F., Athanasiadis G., Barlera S., Birolo G., Boncoraglio G., Di Blasio A. M., Di Gaetano C., Pagani L., Parolo S., Paschou P., Piazza A., Stamatoyannopoulos G., Angius A., Brucato N., Cucca F., Hellenthal G., Mulas A., Peyret-Guzzon M., Zoledziewska M., Baali A., Bycroft C., Cherkaoui M., Chiaroni J., Di Cristofaro J., Dina C., Dugoujon J. M., Galan P., Gienza J., Kivisild T., Mazieres S., Melhaoui M., Metspalu M., Myers S., Pereira L., Ricaut F. X., Brisighelli F., Cardinali I., Grugni V., Lancioni H., Pascali V. L., Torroni A., Semino O., Matullo G., Achilli A., Olivieri A., Capelli C. (2019). Population structure of modern-day Italians reveals patterns of ancient and archaic ancestries in Southern Europe. SCIENCE ADVANCES, vol. 5, ISSN: 2375-2548, doi: 10.1126/sciadv.aaw3492

Anno della pubblicazione Year of publication:	2024
Citazione Citation:	Oteo-Garcia G., Mutti G., Caldon M., Oosthuitzen O., Manfredini M., Capelli C. (2024). Reconstructing micro-evolutionary dynamics shaping local variation in southern african populations using genomics, metagenomics and personal metadata. JOURNAL OF ANTHROPOLOGICAL SCIENCES, vol. 102, p. 123-143, ISSN: 1827-4765, doi: 10.4436/jass10204

Anno della pubblicazione Year of publication:	2023
Citazione Citation:	Daniels R. J., D'Amato M. E., Lesaona M., Kasu M., Ehlers K., Chauke P. A., Lecheko P., Challis S., Rockett K., Montinaro F., Gonzalez-Santos M., Capelli C. (2023). Genetic heritage of the Baphuthi highlights an over-ethnicized notion of "Bushman" in the Maloti-Drakensberg, southern Africa. AMERICAN JOURNAL OF HUMAN GENETICS, vol. 110, p. 880-894, ISSN: 1537-6605, doi: 10.1016/j.ajhg.2023.03.018

Anno della pubblicazione Year of publication:	2017
Citazione Citation:	Montinaro F, Busby GB, Gonzalez-Santos M, Oosthuitzen O, Oosthuitzen E, Anagnostou P, Destro-Bisol G, Pascali VL, Capelli C (2017). Complex Ancient Genetic Structure and Cultural Transitions in Southern African Populations. GENETICS, vol. 205, p. 303-316, ISSN: 0016-6731, doi: 0.1534/genetics.116.189209

Anno della pubblicazione Year of publication:	2022
Citazione	Gonzalez-Santos, M, Montinaro, F, Grollemund,

Citation:	R, Marnetto, D, Atadzhanov, M, May, CA, Mabunda, N, de Maret, P, Oosthuizen, O, Oosthuizen, E, Capelli, C (2022). Exploring the relationships between genetic, linguistic and geographic distances in Bantu-speaking populations. AMERICAN JOURNAL OF BIOLOGICAL ANTHROPOLOGY, vol. 179, p. 104-117, ISSN: 2692-7691, doi: 10.1002/ajpa.24589
-----------	---

Anno della pubblicazione Year of publication:	2022
Citazione Citation:	Gonzalez-Santos, M, Montinaro, F, Grollemund, R, Marnetto, D, Atadzhanov, M, May, CA, Mabunda, N, de Maret, P, Oosthuizen, O, Oosthuizen, E, Capelli, C (2022). Exploring the relationships between genetic, linguistic and geographic distances in Bantu-speaking populations. AMERICAN JOURNAL OF BIOLOGICAL ANTHROPOLOGY, vol. 179, p. 104-117, ISSN: 2692-7691, doi: 10.1002/ajpa.24589

Anno della pubblicazione Year of publication:	2015
Citazione Citation:	Busby GB, Hellenthal G, Montinaro F, Tofanelli S, Bulayeva K, Rudan I, Zemunik T, Hayward C, Toncheva D, Karachanak-Yankova S, Nesheva D, Anagnostou P, Cali F, Brisighelli F, Romano V, Lefranc G, Buresi C, Ben Chibani J, Haj-Khelil A, Denden S, Ploski R, Krajewski P, Hervig T, Moen T, Herrera RJ, Wilson JF, Myers S, Capelli C (2015). The Role of Recent Admixture in Forming the Contemporary West Eurasian Genomic Landscape. CURRENT BIOLOGY, vol. 25, p. 2518-2526, ISSN: 0960-9822, doi: 0.1016/j.cub.2015.08.007

DESCRIZIONE DEI PRINCIPALI PROGETTI DI RICERCA E PREMI CONSEGUITI NEGLI ULTIMI 10 ANNI (CON ANNESSO ELENCO DI MASSIMO 10 RISULTATI, INCLUDENDO, A TITOLO DI ESEMPIO, PRINCIPAL INVESTIGATOR O COORDINATORE LOCALE DI PROGETTI DI RICERCA COMPETITIVI NAZIONALI O INTERNAZIONALI, SIGNIFICATIVI PREMI CONSEGUITI PER LA PROPRIA ATTIVITÀ DI RICERCA)/ DESCRIPTION OF THE MAIN RESEARCH PROJECTS AND AWARDS AWARDED IN THE LAST 10 YEARS (WITH ATTACHED LIST OF MAXIMUM 10 ACHIEVEMENTS, INCLUDING, FOR EXAMPLE, PRINCIPAL INVESTIGATOR OR LOCAL COORDINATOR OF NATIONAL OR INTERNATIONAL COMPETITIVE RESEARCH PROJECTS, SIGNIFICANT AWARDS AWARDED FOR YOUR RESEARCH ACTIVITY):

Descrizione Description:	<i>Negli ultimi 10 anni la mia attività di ricerca si è focalizzata su due ampie aree di ricerca principali, supportate da una serie di progetti finanziati da enti Europei ed Extra Europei La Leakey Foundation ha supportato progetti che utilizzano</i>
-----------------------------	---

	<p><i>modelli di primati non umani per ricostruire aspetti della storia evolutiva della nostra specie. Nel progetto "The Y chromosome evolutionary history of Papio" abbiamo ricostruito le relazioni filogenetiche del genere Papio utilizzando marcatori del cromosoma Y ottenuti tramite analisi bioinformatica di dati whole genome. L'idea e' di utilizzare queste relazioni per inquadrare il pattern di flussi genici tra specie e popolazioni di un primate i cui fossili sono spesso associati a quelli di ominini, per comprenderne le dinamiche demografiche. Il progetto finanziato dalla Leakey Foundation (US) "The evolutionary history of Theropithecus gelada: Population structure, gene-flow and climatic changes", si propone di continuare a sviluppare questo approccio analizzando la struttura di popolazione e ricostruire la storia evolutiva della specie Theropithecus gelada, primate endemico degli altopiani etiopi. tale ricostruzione sara' effettuata all'interno del contesto paleoclimatico della regione, per capire come i i cicli climatici hanno favorito contatti tra popolazioni e fenomeni di isolamento. L'obiettivo e' di usare queste informazioni per arricchire i modelli eco-demo climatici relativi alla nostra specie. Il progetto supportato dal programma Europeo EASI Genomics (EU) "Mind the GAP: comparing genotypes and phenotypes in assigning specimen to species-insights from Papio". ha permesso di confrontare i segnali filogenetici emrgenti da dati morfometrici e genomici di materiale scheletrico museale di esemplari di babbuino, per capire la relazione tragenotipo e fenotipo in relaizoni a specie e ibridi, un ambito di grande interesse in relazione ai fenomnei di ibridazione tra diverse specie del genere Homo. I progetti della Gencove Initiative (US) "Saliva metagenomics of African Populations" e del Leverhulme Trust (UK) "The genetic landscape of southern Africa human populations" hanno offerto la possiblita' di analisi la struttura di popolazione di gruppi umani africani utilizzando dati demografici, genomici e metagenomici, con l'obiettivo di ricostruirne la storia evolutiva.</i></p>
--	---

<p>Descrizione Description:</p>	<p>Progetti finanziati come PI. 2024-2025: Leakey Foundation (US) ""The evolutionary history of Theropithecus gelada: Population structure, gene-flow and climatic changes". Analisi della struttura di popolazione e della storia evolutiva della specie Theropithecus gelada, primate endemico degli altopiani etiopi, inserite all'interno del contesto paleoclimatico della regione.</p>
-------------------------------------	--

<p>Descrizione Description:</p>	<p>PI 2021-2022: Leakey Foundation (US) "The Y chromosome evolutionary history of Papio" . Ricostruzione delle relazioni filogenetiche del genere Papio utilizzando marcatori del cromosoma Y ottenuti tramite analisi bioinformatica di dati whole genome.</p>
-------------------------------------	---

Descrizione Description:	PI 2021-2022: EASI Genomics (EU) "Mind the GAP: comparing genotypes and phenotypes in assigning specimen to species-insights from Papio". Confronto morfometrico e genomico di materiale scheletrico museale di esemplari di babuino.
-----------------------------	---

Descrizione Description:	PI 2018-2019: Gencove Initiative (US) "Saliva metagenomics of African Populations". Analisi della struttura di popolazione di gruppi umani africani utilizzando dati demografici e metagenomici.
-----------------------------	--

Descrizione Description:	PI 2014-2017: Leverhulme Trust (UK) "The genetic landscape of southern Africa human populations". Ricostruzione della storia evolutiva delle popolazioni dell'Africa meridionale tramite un approccio genetico-popolazionistico basato su dati genomici.
-----------------------------	--

DESCRIZIONE DEI PRINCIPALI RISULTATI CONSEGUITI NEGLI ULTIMI 10 ANNI IN TERMINI DI SVILUPPO DI RETI E RELAZIONI SCIENTIFICHE NAZIONALI E INTERNAZIONALI (CON ANNESSO ELENCO DI MASSIMO 5 RISULTATI, INCLUDENDO, A TITOLO DI ESEMPIO, PARTECIPAZIONE O ORGANIZZAZIONE DI CONVEGNI NAZIONALI E INTERNAZIONALI; CONTRIBUTI A CONSORZI DI RICERCA) / DESCRIPTION OF THE MAIN RESULTS ACHIEVED IN THE LAST 10 YEARS IN TERMS OF DEVELOPMENT OF NATIONAL AND INTERNATIONAL SCIENTIFIC NETWORKS AND RELATIONS (WITH ATTACHED LIST OF MAXIMUM 5 RESULTS, INCLUDING, FOR EXAMPLE, PARTICIPATION OR ORGANIZATION OF NATIONAL AND INTERNATIONAL CONFERENCES; CONTRIBUTIONS TO RESEARCH CONSORTIA):

Descrizione Description:	<i>Sono membro dell'associazione degli antropologi italiani (AAI) e del CUCI - Centro Universitario per la Cooperazione Internazionale dell'universita' di Parma. Faccio parte del gruppo BioAnthrPop, che raggruppa genetisti di popolazione ed antropologi italiani che collaborano in attivita' di ricerca centrate su attivita' computazionali (https://www.anthropopgen.it/home). Partecipo al progetto Paleo Primate Project presso il parco nazionale di Gorongosa in Mozambico(https://gorongosa.org/paleo-primate-project/), che si propone di far luce sulle origini e sul successo evolutivo della linea umana attraverso l'adozione di un approccio interdisciplinare. Partecipo al programma di ricerca cooperativo del Center for the Evolutionary Origins of Human Behavior (EHUB), presso l'universita di Kyoto, Giappone. Queste collaborazioni hanno permesso di sviluppare iniziative focalizzate sullo studio delle popolazioni di primati umani e non umani che si sono materializzate in varie pubblicazioni scientifiche e</i>
-----------------------------	---

	<i>finanziamenti di progetti di ricerca.</i>
Descrizione Description:	Invited seminar, 2024 CIBIO Portugal, Doctoral Program Seminars in Biodiversity and Evolution. Title " Population structure, gene flow and hybridisation of Theropithecus gelada, a primate endemic of the Ethiopian highlands"
Descrizione Description:	Invited speaker: "Genomic insights into the evolutionary relationships of Gorongosa baboons", Wenner-Gren Foundation Workshop at Gorongosa National Park "New perspectives on primate adaptations to complex environments and implications for early human evolution", Mozambique, 23-25 July 2019
Descrizione Description:	Partecipazione al convegno EMBO EMBL Symposium "Reconstructing the Human Past - Using Ancient and Modern Genomics", 31 Mar - 3 Apr 2019, EMBL Heidelberg
Descrizione Description:	Partecipazione al convegno internazionale della Society for Molecular Biology and Evolution (SMBE), 23-27 luglio 2023, Ferrara Italy
Descrizione Description:	Invited Seminar "The evolutionary history of Theropithecus gelada", Brookes University, UK, Primatology and Conservation Seminar Series 22/03/2023

DESCRIZIONE DEI PRINCIPALI RISULTATI CONSEGUITI NEGLI ULTIMI 10 ANNI IN TERMINI DI SUPPORTO ALLA COMUNITÀ SCIENTIFICA (CON ANNESSO ELENCO DI MASSIMO 5 RISULTATI, INCLUDENDO, A TITOLO DI ESEMPIO, RESPONSABILITÀ DI DIREZIONE DI COMITATI EDITORIALI; INCARICHI DI VALUTAZIONE DELLA RICERCA PRESSO ISTITUZIONI NAZIONALI O INTERNAZIONALI; RESPONSABILITÀ ISTITUZIONALI ALL'INTERNO DELL'ISTITUZIONE DI APPARTENENZA O DI ALTRE ISTITUZIONI) / DESCRIPTION OF THE MAIN RESULTS ACHIEVED IN THE LAST 10 YEARS IN TERMS OF SUPPORT TO THE SCIENTIFIC COMMUNITY (WITH ATTACHED LIST OF MAXIMUM 5 RESULTS, INCLUDING, FOR EXAMPLE, MANAGEMENT RESPONSIBILITIES OF EDITORIAL COMMITTEES; RESEARCH EVALUATION ROLES AT NATIONAL OR INTERNATIONAL INSTITUTIONS; INSTITUTIONAL RESPONSIBILITIES WITHIN THE INSTITUTION OF AFFILIATION OR OTHER INSTITUTIONS):

Descrizione	<i>Sono membra del pannello editoriale di due riviste internazionali, per le quali ho coordinato il</i>
-------------	---

Description:	<i>processo di revisione di articoli sottomessi per valutazione. Sono regolarmente invitato come referee da riviste internazionali di alto impatto, incluse Nature e Science. Sono stato invitato a partecipare come membro interno o esterno a vari processi di selezione e valutazione di posizioni accademiche, per il reclutamento e per passaggi di ruolo e conferme. La partecipazione e' avvenuta all'interno di comitati presso l'ateneo di appartenenza e di altri atenei, anche esteri. Ho valutato richieste di finanziamento effettuate presso diversi enti finanziatori nazionali e internazionali, per fondazioni private e agenzie nazionali di valutazione. Ho coordinato la procedura di valutazione del corso di laurea di Biologia in uno dei principali atenei a livello internazionale, e sono attualmente membro di vari comitati di revisione di corsi di laurea, triennale, magistrale e di dottorato.</i>
--------------	--

Descrizione Description:	Associate Editor, PLOS ONE, dal 2014. Editorial Board Member, Evolutionary Biology, BMC Biology, dal 2020
-----------------------------	---

Descrizione Description:	Partecipazione a vari processi di selezione e valutazione di posizioni accademiche 2017 University of Oxford Membro del pannello per la valutazione di candidati alla posizione di Clarendon-Lienhardt Associate Professorship in the Social Anthropology of Africa, 2022 University of Bristol, UK. Independent External Assessor of Internal Candidate for Professorial progression 2024 University of Tartu, Estonia. Evaluation of the candidate to the position of Associate Professor of Evolutionary Genomics 2025 National Research Foundation, University of Cape Town, South Africa. Evaluation of the quality, impact and standing of the research portfolio of Professorial candidate in the field of "Human genetics; Forensic genetics"
-----------------------------	---

Descrizione Description:	University of Oxford, Biological Sciences FHS course. 2018-2019 Chair of Examiners, 2017-2018 Examiner and vice-Chair, 2016-2017 Examiner
-----------------------------	---

Descrizione Description:	Valutazione richieste di finanziamento per diversi enti finanziatori nazionali e internazionali: Biotechnology and Biological Sciences Research Council (BBSRC, Regno Unito), The Arts and Humanities Research Council (AHRC, Regno Unito), The Royal Society (Regno Unito), The Leverhulme Trust (Regno Unito), The Wellcome Trust (Regno Unito), The National Research Foundation (NSF, Sud Africa), Ministero italiano dell'Università e della Ricerca (MIUR, Italia), The Estonian Science Foundation (Estonia, ESF), Fundação para a Ciência e a Tecnologia, I.P. (FCT, Portogallo), The Leakey Foundation (USA), Deutsche Forschungsgemeinschaft (DFG, Fondazione tedesca per la ricerca; Germania), Vetenskapsrådet (Consiglio svedese delle ricerche, Svezia).
-----------------------------	--

Descrizione Description:	Universita' di Parma. Membro Gruppo del Riesame, Corso Dottorato in Biotecnologie e Bioscienze (dal 2024). Membro Gruppo del Riesame, Corso di Laurea Magistrale in Scienze Biomolecolari, Genomiche e Cellulari (dal 2023). Membro Gruppo del Riesame, Corso di Laurea Magistrale in Ecologia ed Etologia per la Conservazione della Natura (dal 2025).
-----------------------------	--

DESCRIZIONE DEI PRINCIPALI RISULTATI CONSEGUITI NEGLI ULTIMI 10 ANNI IN TERMINI VALORIZZAZIONE DELLE CONOSCENZE (CON ANNESSO ELENCO DI MASSIMO 3 RISULTATI, RELATIVI ALLA PARTECIPAZIONE DEL CANDIDATO ALLE ATTIVITÀ DI VALORIZZAZIONE DELLE CONOSCENZE) / DESCRIPTION OF THE MAIN RESULTS ACHIEVED IN THE LAST 10 YEARS IN TERMS OF KNOWLEDGE VALORIZATION (WITH ATTACHED LIST OF MAXIMUM 3 RESULTS, RELATING TO THE CANDIDATE'S PARTICIPATION IN KNOWLEDGE VALORIZATION ACTIVITIES):

Descrizione Description:	<i>Sono spesso invitato a presentare e commentare i risultati delle mie pubblicazioni (ad esempio: https://www.scienzainrete.it/articolo/ritratto-genetico-degli-italiani/alessandro-raveane-serena-aneli-francesco-montinaro#:~:text=Il%20pi%C3%B9%20grande%20studio%20di%20genetica%20della%20popolazione,la%20distribuzione%20della%20variazione%20genetica%2C%20rivelandone%20l%27incredibile%20eterogeneit%C3%A0.,con%20quasi%20200,000%20letture) e, come esperto, quelle di altri colleghi (ad esempio: https://leakeyfoundation.org/podcast/top-human-origins-discoveries-of-2024/). Partecipo regolarmente alla notte dei ricercatori e sono stato invitato come speaker al Darwin Day organizzato dal museo di storia naturale di Milano (https://www.youtube.com/watch?v=sUcq9dqi7bw, con quasi 5000 visualizzazioni).</i>
-----------------------------	---

Descrizione Description:	Il DNA della Storia Public Engagement / Intervista 2021 In questo programma, lo storico Jerry Brotton si chiede fino a che punto questa scienza stia cambiando lo studio della storia e dove potrebbe portarci. Si chiede se la genetica ci stia fornendo gli strumenti definitivi per comprendere le nostre origini storiche - e forse il nostro futuro - o se stiamo entrando in una nuova era di biocolonialismo. Oggi, gli scienziati sono accusati di raccogliere il nostro DNA e di fare ipotesi genetiche su persone che hanno già sofferto sotto il razzismo scientifico e la colonizzazione europea. Questi gruppi ora discutono sull'etica delle ossa dei loro antenati analizzate per svolgere il loro ruolo nell'evoluzione della moderna scienza occidentale. CC è uno dei vari accademici intervistati su questo argomento e il cui contributo è incluso..
-----------------------------	--

Descrizione Description:	Si fa presto a dire Scimmie: Noi e Gli altri Primati (Darwin Day Milano) Public Engagement / Incontro pubblico Febbraio 2024 Seminario all'interno dell'iniziativa Darwin Day organizzata dal Museo di Storia Naturale di Milano
-----------------------------	--

Descrizione Description:	"La stanza del delitto imperfetto 2.0" Notte dei Ricercatori, Università di Parma Public Engagement / Laboratorio Settembre 2023/Settembre 2024 Organizzazione, allestimento e partecipazione all'attività. Attività di natura dimostrativo-interattiva sull'utilizzo delle moderne tecniche di genetica forense per l'identificazione dei soggetti, sulla base di reperti biologici raccolti sulla scena del crimine.
-----------------------------	--

Informazioni aggiornate alla data di candidatura 03-05-2025

Cristian Capelli

Il presente curriculum costituisce allegato e parte integrante dell'incarico sottoscritto